# Material Suplementar

**Tabela S1.** Estratégia de busca nas bases de dados e resultados obtidos––período de busca 01/jan./2010–31/dez./2022

| **Base de dados** | **Estratégia de busca** | **Artigos** |
| --- | --- | --- |
| PubMed:  https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov | (("chagas disease"[MeSH Terms] OR ("chagas"[All Fields] AND "disease"[All Fields]) OR "chagas disease"[All Fields]) OR ("trypanosoma cruzi"[MeSH Terms] OR ("trypanosoma"[All Fields] AND "cruzi"[All Fields]) OR "trypanosoma cruzi"[All Fields])) AND (("pregnant women"[MeSH Terms] OR ("pregnant"[All Fields] AND "women"[All Fields]) OR "pregnant women"[All Fields]) OR ("pregnancy"[MeSH Terms] OR "pregnancy"[All Fields]) OR ("infectious disease transmission, vertical"[MeSH Terms] OR ("infectious"[All Fields] AND "disease"[All Fields] AND "transmission"[All Fields] AND "vertical"[All Fields]) OR "vertical infectious disease transmission"[All Fields] OR ("vertical"[All Fields] AND "transmission"[All Fields]) OR "vertical transmission"[All Fields])) AND (("2010/01/01"[PDAT] : "2022/12/31"[PDAT]) AND "humans"[MeSH Terms] AND "brazil"[ All Fields]) | 127 |
| Web of Science:  https://www.webofscience.com | (((((((TS=(Chagas disease AND pregnant women )) OR TS=(Chagas disease AND Brazil)) OR TS=(Trypanosoma cruzi AND pregnant women)) OR TS=(Trypanosoma cruzi infection AND pregnant women)) OR TS=(Trypanosoma cruzi AND Brazil)) OR TS=(Chagas disease AND pregnancy)) OR TS=(Trypanosoma cruzi AND pregnancy)) AND DOP=(2010-01-01/2022-12-31) | 1267 |
| Scopus:  https://www.scopus.com/ | (TITLE-ABS-KEY ("Chagas disease" AND pregnancy) OR TITLE-ABS-KEY("Trypanosoma cruzi" AND pregnancy) OR TITLE-ABS-KEY ("Trypanosoma cruzi infection" AND "pregnant women") OR TITLE-ABS-KEY ("Trypanosoma cruzi" AND "pregnant women") OR TITLE-ABS-KEY ("Chagas disease" AND "pregnant women") OR TITLE-ABS-KEY ("Chagas disease" AND americans) OR TITLE-ABS-KEY ("Trypanosoma cruzi" AND americans)) AND (LIMIT-TO (AFFILCOUNTRY, "Brazil") OR LIMIT-TO(AFFILCOUNTRY, "Undefined")) AND (LIMIT-TO(DOCTYPE, "ar")) AND (LIMIT-TO(LANGUAGE, "English") OR LIMIT-TO(LANGUAGE, "Spanish") OR LIMIT-TO(LANGUAGE, "Portuguese")) AND (LIMIT-TO (PUBYEAR, 2010) OR LIMIT-TO(PUBYEAR, 2011) OR LIMIT-TO (PUBYEAR, 2012) OR LIMIT-TO (PUBYEAR, 2013) OR LIMIT-TO (PUBYEAR, 2014) OR LIMIT-TO (PUBYEAR, 2015) OR LIMIT-TO (PUBYEAR, 2016) OR LIMIT-TO (PUBYEAR, 2017) OR LIMIT-TO (PUBYEAR, 2018) OR LIMIT-TO (PUBYEAR, 2019 ) OR LIMIT-TO (PUBYEAR, 2020) OR LIMIT-TO (PUBYEAR, 2021) OR LIMIT-TO (PUBYEAR, 2022)) | 416 |
| Embase:  https://www.embase.com | ('chagas disease'/exp OR 'chagas disease' OR (chagas AND ('disease'/exp OR disease)) OR 'trypanosoma cruzi'/exp OR 'trypanosoma cruzi' OR (('trypanosoma'/exp OR trypanosoma) AND cruzi)) AND ('pregnant women'/exp OR 'pregnant women' OR (pregnant AND ('women'/exp OR women))) AND ('brazil'/exp OR brazil) AND [2010-2022]/py | 251 |

**Tabela S2.** Variáveis de estudo para modelagem estatística da transmissão congênita, Brasil, 2010–2022

|  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Variáveis** |  | **Método de cálculo** | **Sistema de Informação** | **Período** | **Fonte** | |
| *Índice, subíndice e indicadores de DCC* | | | | | |
| Índice de vulnerabilidade para DCC (Índice) |  | Soma ponderada dos subíndices Chagas, Sentinelas e Acesso | SIAB, SIM, SIH, SISAB e SIA | 2015–2020 | (7,12) | |
| Subíndice Chagas (Chagas) |  | Soma ponderada dos indicadores diretamente associados à DC | SIAB, SIM e SIH | 2015–2019 | (7,12) | |
| Taxa de cadastros para DC (SIAB) |  | (cadastros/população residente) \*100.000 | SIAB | Dez./2015 | (7,12) | |
| Taxa de mortalidade por DC até 49 anos (MortJ) |  | (óbitos ≤49 anos /população residente ≤49 anos) \*100.000 | SIM | 2017–2019 | (7,12) | |
| Taxa de mortalidade por DC em 50 anos+ (MortV) |  | (óbitos ≥50 anos /população residente ≥50 anos) \*100.000 | SIM | 2017–2019 | (7,12) | |
| Taxa de internações por DC (IntDC) |  | (internações hospitalares / população residente) \*10.000 | SIH | 2017–2019 | (7,12) | |
| Subíndice Sentinela (Sentinela) |  | Soma ponderada dos indicadores indiretamente associados à DC | SIH e SIM | 2017–2019 | (7,12) | |
| Taxa de internação por insuficiência cardíaca (IntIC) |  | (internações hospitalares / população residente) \*10.000 | SIH | 2017–2019 | (7,12) | |
| Taxa de mortalidade de causas cardíacas crônicas (MortS) |  | (óbitos/população residente) \*100.000 | SIM | 2017–2019 | (7,12) | |
| Subíndice Acesso (Acesso) |  | Soma ponderada dos indicadores de acessos aos serviços de saúde | SISAB, SIH e SIA | 2017–2020 | (7,12) | |
| Cobertura populacional da Atenção Básica (CobAB) |  | Método de cálculo descrito em (Secretaria de Atenção à Saúde, 2021) | SISAB | Dez./2020 | (7,12) | |
| Razão de procedimentos de DC e população residente (Proc) |  | (procedimentos por local de residência e ano de atendimento / população residente) \*100 | SIH e SIA | 2017–2019 | (7,12) | |
| Razão de procedimentos de DC e população residente de 50 anos ou superior (ProcV) |  | (procedimentos ≥50 anos, por local de residência e ano de atendimento / população residente ≥50 anos) \*100 | SIH e SIA | 2017–2019 | (7,12) | |
| Proporção de internações  por insuficiência cardíaca  com realização de sorologia IgG para *T*. *cruzi* (AIHICDC) |  | (internações por insuficiência cardíaca com teste de sorologia / internações por insuficiência cardíaca) \*100 | SIH | 2017–2019 | (7,12) | |

**Tabela S2.** *Continuação*

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Variáveis** |  | **Método de cálculo** | **Sistema de Informação** | **Período** | **Fonte** |
| *Meta-análise da literatura* | | | | | |
| Prevalência na população geral (PrevT) |  | (casos de DCC/tamanho amostral) \*100 | PubMed, WoS, Scopus e Embase | 2010–2022 | Este trabalho |
| Prevalência em mulheres (PrevM) |  | (casos de DCC/tamanho amostral) \*100 | PubMed, WoS, Scopus e Embase | 2010–2022 | Este trabalho |
| Prevalência em mulheres em idade fértil (PrevMFe) |  | (casos de DCC/tamanho amostral) \*100 | PubMed, WoS, Scopus e Embase | 2010–2022 | Este trabalho |
| Prevalência em mulheres grávidas (PrevMGr) |  | casos de DCC | PubMed, WoS, Scopus e Embase | 2010–2022 | Este trabalho |
| Transmissão vertical por DCC (transVC) |  | Coeficiente de casos de DCC congênita | PubMed, WoS, Scopus e Embase | 2010–2022 | Este trabalho |
| *Demografia e território* | | | | | |
| População municipal residente média (Pop) |  | Média de população residente por município | Censo IBGE | 2010 e 2022 | Este trabalho |
| Área territorial (Area) |  | Área administrativa do município (em Km2) | IBGE Geociências | 2021 | Este trabalho |
| Latitude do município (Y) |  | Latitude do centroide do município (em graus decimais e Datum SIRGAS 2000) | IBGE Geociências | 2021 | Este trabalho |
| Longitude do município (X) |  | Longitude do centroide do município (em graus decimais e Datum SIRGAS 2000) | IBGE Geociências | 2021 | Este trabalho |
| *Incidência de DCA* | | | | | |
| Taxa média por município |  | (casos de DCA por município de infecção ou residência /população residente média) \*100 [*comentário*: mesma base pop. da prevalência] | SINAN | 2011–2021 | Este trabalho |
| Taxa de conversão DCA em DCC (IncDCA) |  | (taxa média por município) \*(transmissão vertical por DCA / transmissão vertical por DCC) | SINAN | 2011–2021 | Este trabalho |
| Transmissão vertical por DCA |  | Coeficiente de casos de DCA congênita | SINAN | 2011–2021 | Este trabalho |

**Tabela S3.** Estimativas de prevalência de doença de Chagas na população geral do Brasil segundo estudos publicados em 2010–2022

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Autores /**  **Ano de publicação** | **Período de**  **estudo** | **Local de estudo**  **(Localidade, município)** | **Estado** | **Região** | **Amostragem** | **Testes** | **Amostra** | **Grupo de idade** | **Tamanho da amostra** | **Casos** | **Prevalência** |
| Freitas et al. 2017 (24) | 2013 | Sete unidades de saúde, Limoeiro do Norte | CE | Nordeste | Unidade de saúde | ELISA, IFA, IHA | Sangue venoso | 2–86 anos | 812 | 34 | 4,2% |
| Lima et al. 2012 (21) | 2004–2006 | Quatro comunidades em Jaguaruana | CE | Nordeste | Comunidade | IFA, ELISA, PCR | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | 0–40+ anos | 1076 | 13 | 1,2% |
| Matos et al. 2014 (32) | 2011–2012 | População residente de Bambuí | MG | Sudeste | Comunidade | ELISA, IFA, IHA | Sangue venoso | 4–99 anos | 1782 | 138 | 7,7% |
| Silva-Grecco et al. 2010 (31) | - | População residente de Água Comprida | MG | Sudeste | Comunidade | ELISA, IFA, IHA | Sangue venoso | - | 998 | 255 | 25,6% |
| Brito et al. 2012 (28) | 2007–2009 | Apodi | RN | Nordeste | Populacional | ELISA, IHA, IFA, Western blot | Sangue venoso | 18–84 | 335 | 31 | 9,3% |
| Brito et al. 2012  (28) | 2007–2009 | Caraúbas | RN | Nordeste | Populacional | ELISA, IHA, IFA, Western blot | Sangue venoso | 18–84 | 478 | 49 | 10,3% |
| Brito et al. 2012  (28) | 2007–2009 | Francisco Dantas | RN | Nordeste | Populacional | ELISA, IHA, IFA, Western blot | Sangue venoso | 18–84 | 36 | 0 | 0% |
| Brito et al. 2012  (28) | 2007–2009 | Frutuoso Gomes | RN | Nordeste | Populacional | ELISA, IHA, IFA, Western blot | Sangue venoso | 18–84 | 94 | 0 | 0% |
| Brito et al. 2012  (28) | 2007–2009 | Gov. Dix-Sept Rosado | RN | Nordeste | Populacional | ELISA, IHA, IFA, Western blot | Sangue venoso | 18–84 | 112 | 9 | 8% |
| Brito et al. 2012  (28) | 2007–2009 | Lucrécia | RN | Nordeste | Populacional | ELISA, IHA, IFA, Western blot | Sangue venoso | 18–84 | 34 | 3 | 8,8% |
| Brito et al. 2012  (28) | 2007–2009 | Luís Gomes | RN | Nordeste | Populacional | ELISA, IHA, IFA, Western blot | Sangue venoso | 18–84 | 84 | 0 | 0% |
| Brito et al. 2012  (28) | 2007–2009 | Mossoró | RN | Nordeste | Populacional | ELISA, IHA, IFA, Western blot | Sangue venoso | 18–84 | 268 | 10 | 3,7% |

**Tabela S3.** *Continuação*

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Autores /**  **Ano de publicação** | **Período de**  **estudo** | **Local de estudo**  **(Localidade, município)** | **Estado** | **Região** | **Amostragem** | **Testes** | **Amostra** | **Grupo de idade** | **Tamanho da amostra** | **Casos** | **Prevalência** |
| Brito et al. 2012 (28) | 2007–2009 | Rafael Fernandes | RN | Nordeste | Populacional | ELISA, IHA, IFA, Western blot | Sangue venoso | 18–84 | 48 | 0 | 0% |
| Brito et al. 2012 (28) | 2007–2009 | Riacho de Santana | RN | Nordeste | Populacional | ELISA, IHA, IFA, Western blot | Sangue venoso | 18–84 | 61 | 3 | 4,9% |
| Brito et al. 2012 (28) | 2007–2009 | São Miguel | RN | Nordeste | Populacional | ELISA, IHA, IFA, Western blot | Sangue venoso | 18–84 | 163 | 4 | 2,5% |
| Brito et al. 2012 (28) | 2007–2009 | Serra do Mel | RN | Nordeste | Populacional | ELISA, IHA, IFA, Western blot | Sangue venoso | 18–84 | 19 | 0 | 0% |
| Brito et al. 2012 (28) | 2007–2009 | Serrinha dos Pintos | RN | Nordeste | Populacional | ELISA, IHA, IFA, Western blot | Sangue venoso | 18–84 | 46 | 0 | 0% |
| Brito et al. 2012 (28) | 2007–2009 | Severiano Melo | RN | Nordeste | Populacional | ELISA, IHA, IFA, Western blot | Sangue venoso | 18–84 | 163 | 17 | 10,4% |
| Brito et al. 2012 (28) | 2007–2009 | Tibau | RN | Nordeste | Populacional | ELISA, IHA, IFA, Western blot | Sangue venoso | 18–84 | 9 | 0 | 0% |
| Brito et al. 2012 (28) | 2007–2009 | Caicó | RN | Nordeste | Populacional | ELISA, IHA, IFA, Western blot | Sangue venoso | 22–70 | 390 | 13 | 3,3% |
| Coutinho et al. 2014 (27) | 2008–2009 | Residentes de Miguel Pereira, Russas | CE | Nordeste | Comunidade | IFA, ELISA, PCR, xenodiagnóstico in vitro, hemocultura | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | 0–70+ anos | 642 | 8 | 1,3% |
| Carvalho et al. 2011 (18) | 2008 | Residentes de áreas rurais em Monte Negro | RO | Norte | Comunidade | IFA, ELISA | Sangue venoso | 2–78 anos | 344 | 4 | 1,2% |
| Sarquis et al. 2012 (25) | 2009 | Residentes em comunidades de Morada Nova | CE | Nordeste | Comunidade | IFA, ELISA | Punção digital em papel de filtro | - | 175 | 0 | 0% |
| Silva et al. 2010 (34) | 2007 | Distrito de Serra Azul, Mateus Leme | MG | Sudeste | Comunidade | IHA, ELISA | - | 2–97 | 676 | 14 | 2% |
| Fidalgo et al. 2021 (26) | 2015 | Residentes em Quixeré | CE | Nordeste | Comunidade | ELISA, IFA, IHA | Sangue venoso | 2–80+ anos | 348 | 13 | 3,7% |
| Freitas et al. 2015 (23) | 2011 | Área rural em Limoeiro do Norte | CE | Nordeste | Comunidade | ELISA, IFA, IHA | Sangue venoso | 0–70+ anos | 154 | 4 | 2,6% |

**Tabela S3.** *Continuação*

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Autores /**  **Ano de publicação** | **Período de**  **estudo** | **Local de estudo**  **(Localidade, município)** | **Estado** | **Região** | **Amostragem** | **Testes** | **Amostra** | **Grupo de idade** | **Tamanho da amostra** | **Casos** | **Prevalência** |
| Glass et al. 2018 (29) | 2015–2016 | Assentamentos rurais em Umbaúba | SE | Nordeste | Comunidade | ELISA, IFA | Sangue venoso | 18–80 anos | 617 | 75 | 12,2% |
| Santos et al. 2020 (20) | 2018–2019 | Comunidades rurais de São João do  Piauí | PI | Nordeste | Comunidade | ELISA, IFA | Sangue venoso | 0–75 anos | 683 | 55 | 8,1% |
| Martins et al. 2018 (35) | 2014 | Comunidade Quilombola, Jaraguari | MS | Centro-Oeste | Comunidade | ELISA, IFA, CMA, PCR | Sangue venoso | <6–60+ anos | 175 | 1 | 0,6% |
| Lima et al. 2015 (22) | 2007–2008 | Seis localidades em Jaguaruana | CE | Nordeste | Comunidade | ELISA, IFA | Punção digital em papel de filtro | 0–70+ anos | 581 | 4 | 0,7% |
| Santos et al. 2022 (30) | 2018–2019 | Distrito de Santo Inácio, Gentio do Ouro | BA | Nordeste | Comunidade | ELISA, PCR | Sangue venoso | <18–65+ | 126 | 0 | 0% |
| Santana et al. 2021 (19) | 2019 | Comunidades rurais de Campinas do Piauí | PI | Nordeste | Comunidade | ELISA, IFA | Punção digital em papel de filtro | 2–92 | 763 | 40 | 5,2% |
| Cruz et al. 2021 (33) | 2019 | Espinosa e São Francisco | MG | Sudeste | Saúde da Família | ELISA | Sangue venoso | <35–76+ | 2038 | 188 | 9,2% |

**Tabela S4.** Estimativas de prevalência de doença de Chagas em mulheres no Brasil segundo estudos publicados em 2010–2022

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Autores /**  **Ano de publicação** | **Período de**  **estudo** | **Local de estudo**  **(Localidade, município)** | **Estado** | **Região** | **Amostragem** | **Testes** | **Amostra** | **Grupo de idade** | **Tamanho da amostra** | **Casos** | **Prevalência** |
| Freitas et al. 2017 (24) | 2013 | Sete unidades de saúde, Limoeiro do Norte | CE | Nordeste | Unidade de saúde | ELISA, IFA, IHA | Sangue venoso | 2–86 anos | 812 | 25 | 3,1% |
| Matos et al. 2014 (32) | 2011–2012 | População residente de Bambuí | MG | Sudeste | Comunidade | ELISA, IFA, IHA | Sangue venoso | 4–99 anos | 1782 | 87 | 4,9% |
| Coutinho et al. 2014 (27) | 2008–2009 | Residentes de Miguel Pereira, Russas | CE | Nordeste | Comunidade | IFA, ELISA, PCR, xenodiagnóstico in vitro, hemocultura | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | 0–70+ anos | 642 | 5 | 0,8% |
| Silva et al. 2010 (34) | 2007 | Distrito de Serra Azul, Mateus Leme | MG | Sudeste | Comunidade | IHA, ELISA | - | 2–97 | 676 | 10 | 1,5% |
| Fidalgo et al. 2021 (26) | 2015 | Residentes em Quixeré | CE | Nordeste | Comunidade | ELISA, IFA, IHA | Sangue venoso | 2–80+ anos | 348 | 4 | 1,2% |
| Freitas et al. 2015 (23) | 2011 | Área rural em Limoeiro do Norte | CE | Nordeste | Comunidade | ELISA, IFA, IHA | Sangue venoso | 0–70+ anos | 154 | 3 | 2% |
| Glass et al. 2018 (29) | 2015–2016 | Assentamentos rurais em Umbaúba | SE | Nordeste | Comunidade | ELISA, IFA | Sangue venoso | 18–80 anos | 617 | 49 | 7,9% |
| Santos et al. 2020 (20) | 2018–2019 | Comunidades rurais de São João do  Piauí | PI | Nordeste | Comunidade | ELISA, IFA | Sangue venoso | 0–75 anos | 683 | 30 | 4,4% |
| Martins et al. 2018 (35) | 2014 | Comunidade Quilombola, Jaraguari | MS | Centro-Oeste | Comunidade | ELISA, IFA, CMA, PCR | Sangue venoso | <6–60+ anos | 175 | 1 | 0,6% |
| Lima et al. 2015 (22) | 2007–2008 | Seis localidades em Jaguaruana | CE | Nordeste | Comunidade | ELISA, IFA | Punção digital em papel de filtro | 0–70+ anos | 581 | 2 | 0,3% |
| Santos et al. 2022 (30) | 2018–2019 | Distrito de Santo Inácio, Gentio do Ouro | BA | Nordeste | Comunidade | ELISA, PCR | Sangue venoso | <18–65+ | 126 | 0 | 0% |
| Santana et al. 2021 (19) | 2019 | Comunidades rurais de Campinas do Piauí | PI | Nordeste | Comunidade | ELISA, IFA | Punção digital em papel de filtro | 2–92 | 763 | 17 | 2,2% |
| Cruz et al. 2021 (33) | 2019 | Espinosa e São Francisco | MG | Sudeste | Saúde da Família | ELISA | Sangue venoso | <35–76+ | 2038 | 109 | 5,4% |

**Tabela S5.** Estimativas de prevalência de doença de Chagas em mulheres em idade fértil (10–49 anos) no Brasil segundo estudos publicados em 2010–2022

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Autores /**  **Ano de publicação** | **Período de**  **estudo** | **Local de estudo**  **(Localidade, município)** | **Estado** | **Região** | **Amostragem** | **Testes** | **Amostra** | **Grupo de idade** | **Tamanho da amostra** | **Casos** | **Prevalência** |
| Freitas et al. 2017 (24) | 2013 | Sete unidades de saúde, Limoeiro do Norte | CE | Nordeste | Unidade de saúde | ELISA, IFA, IHA | Sangue venoso | 2–86 anos | 812 | 2 | 0,3% |
| Matos et al. 2014 (32) | 2011–2012 | População residente de Bambuí | MG | Sudeste | Comunidade | ELISA, IFA, IHA | Sangue venoso | 4–99 anos | 1782 | 5 | 0,3% |
| Coutinho et al. 2014 (27) | 2008–2009 | Residentes de Miguel Pereira, Russas | CE | Nordeste | Comunidade | IFA, ELISA, PCR, xenodiagnóstico in vitro, hemocultura | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | 0–70+ anos | 642 | 2 | 0,3% |
| Silva et al. 2010 (34) | 2007 | Distrito de Serra Azul, Mateus Leme | MG | Sudeste | Comunidade | IHA, ELISA | - | 2–97 | 676 | 0 | 0% |
| Freitas et al. 2015 (23) | 2011 | Área rural em Limoeiro do Norte | CE | Nordeste | Comunidade | ELISA, IFA, IHA | Sangue venoso | 0–70+ anos | 154 | 0 | 0% |
| Santos et al. 2020 (20) | 2018–2019 | Comunidades rurais de São João do  Piauí | PI | Nordeste | Comunidade | ELISA, IFA | Sangue venoso | 0–75 anos | 683 | 25 | 3,7% |
| Martins et al. 2018 (35) | 2014 | Comunidade Quilombola, Jaraguari | MS | Centro-Oeste | Comunidade | ELISA, IFA, CMA, PCR | Sangue venoso | <6–60+ anos | 175 | 1 | 0,6% |
| Lima et al. 2015 (22) | 2007–2008 | Seis localidades em Jaguaruana | CE | Nordeste | Comunidade | ELISA, IFA | Punção digital em papel de filtro | 0–70+ anos | 581 | 1 | 0,2% |
| Santos et al. 2022 (30) | 2018–2019 | Distrito de Santo Inácio, Gentio do Ouro | BA | Nordeste | Comunidade | ELISA, PCR | Sangue venoso | <18–65+ | 126 | 0 | 0% |

**Tabela S6.** Estimativas de prevalência de doença de Chagas em mulheres grávidas no Brasil segundo estudos publicados em 2010–2022

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Autores /**  **Ano de publicação\*** | **Período de**  **estudo** | **Local de estudo**  **(Localidade, município)** | **Estado** | **Região** | **Amostragem** | **Testes** | **Amostra** | **Grupo de idade** | **Tamanho da amostra** | **Casos** | **Prevalência** |
| Nobre et al. 2021 (17) | 2014–2016 | Sistema Público de Saúde, Distrito Federal | DF | Centro-Oeste | Populacional | ELISA, IHA | Sangue venoso | <20–40+ anos | 98.895 | 188 | 0,19% |
| Belo et al. 20161 | 2007–2012 | Unidades de Atenção Primária (pré-natal), Maceió | AL | Nordeste | Populacional | Sorologia | Sangue venoso | - | 54.813 | 66 | 0,12% |
| Santos et al. 20182 | 2015–2016 | Hospital Universitário da UFS, municípios do sul de Sergipe: Arauá, Boquim, Cristinápolis, Estância,  Indiaroba, Itabaianinha, Pedrinhas, Salgado, Umbaúba, Santa  Luzia do Itanhy e Tomar do Geru | SE | Nordeste | Hospitalar | ELISA, IFA | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | 3749 | 1 | 0,02% |

**\***Referências não citadas no texto principal:1, Santos, F.R. dos, Euzébio, D.M., Oliveira, G.G. de, Chagas, M.S., Ferreira, A.R., Mendonça, L.A., Correia, D., Silva, A.M. da, 2018. Systematic neonatal screening for congenital Chagas disease in Northeast Brazil: prevalence of *Trypanosoma cruzi* infection in the Southern region of Sergipe. Rev. Soc. Bras. Med. Trop. 51, 310–317. <https://doi.org/10.1590/0037-8682-0024-2018>; 2, Belo, B., Prata, A., Moura, A., Nobrega, L., Amorim, M.M., Katz, L., 2016. Seroprevalence of Chagas’ Disease in Pregnancy and Congenital Transmission of *Trypanosoma cruzi* in Maceió, Brazil [28I]. Obstetrics & Gynecology 127, 80S. <https://doi.org/10.1097/01.AOG.0000483732.19468.1b>.

**Tabela S7.** Transmissão vertical de *Trypanosoma cruzi* no Brasil segundo estudos publicados em 2010–2022

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Autores /**  **Ano de publicação\*** | **Período de**  **estudo** | **Local de estudo**  **(Localidade, município)** | **Estado** | **Região** | **Amostragem** | **Testes** | **Amostra** | **Tempo de seguimento** | **Tamanho da amostra** | **Casos** | **Transmissão vertical** |
| Nobre et al. 2021 (17) | 2014–2016 | Sistema Público de Saúde, Distrito Federal | DF | Centro-Oeste | Populacional | ELISA, IHA | Sangue venoso | Nascimento e aos 9 meses | 40 | 1 | 2,5% |
| Luquetti et al. 20151 | 1994–2014 | Hospital das Clínicas (UFG), microrregião 5201-5206-5212 | GO | Centro-Oeste | Hospitalar | ELISA, IHA, IFA, direto | Soro, sangue venoso, cordão umbilical | Nascimento e até os 8 anos | 389 | 16 | 4,1% |
| Luquetti et al. 20151 | 1994–2014 | Hospital das Clínicas (UFG), microrregião 2925-2926-2930 | BA | Nordeste | Hospitalar | ELISA, IHA, IFA, direto | Soro, sangue venoso, cordão umbilical | Nascimento e até os 8 anos | 210 | 4 | 1,9% |
| Luquetti et al. 20151 | 1994–2014 | Hospital das Clínicas (UFG), microrregião 3126-3129 | MG | Sudeste | Hospitalar | ELISA, IHA, IFA, direto | Soro, sangue venoso, cordão umbilical | Nascimento e até os 8 anos | 31 | 1 | 3,2% |
| Luquetti et al. 20151 | 1994–2014 | Hospital das Clínicas (UFG), microrregião 1714-1715 | TO | Norte | Hospitalar | ELISA, IHA, IFA, direto | Soro, sangue venoso, cordão umbilical | Nascimento e até os 8 anos | 14 | 1 | 7,1% |
| Ostermayer et al. 20112 | 2001–2008 | Cruzeiro do Sul | AC | Norte | Inquérito | ELISA, IHA, IFA, teste rápido, Western blot | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | Média = 122 (1100 crianças /  9 municípios) | 1 | 0,8% |
| Ostermayer et al. 20112 | 2001–2008 | Panelas | PE | Nordeste | Inquérito | ELISA, IHA, IFA, teste rápido, Western blot | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | Média = 117  (7132 crianças / 61 municípios) | 1 | 0.9% |
| Ostermayer et al. 20112 | 2001–2008 | Matriz de Camaragibe | AL | Nordeste | Inquérito | ELISA, IHA, IFA, teste rápido, Western blot | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | Média = 91 (3723 crianças / 41 municípios) | 1 | 1.1% |
| Ostermayer et al. 20112 | 2001–2008 | Esplanada | BA | Nordeste | Inquérito | ELISA, IHA, IFA, teste rápido, Western blot | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | Média = 99 (16489 crianças / 166 municípios) | 1 | 1% |

**Tabela S7.** *Continuação*

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Autores /**  **Ano de publicação** | **Período de**  **estudo** | **Local de estudo**  **(Localidade, município)** | **Estado** | **Região** | **Amostragem** | **Testes** | **Amostra** | **Tempo de seguimento** | **Tamanho da amostra** | **Casos** | **Transmissão vertical** |
| Ostermayer et al. 20112 | 2001–2008 | Chapada do Norte | MG | Sudeste | Inquérito | ELISA, IHA, IFA, teste rápido, Western blot | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | Média = 33 (11210 crianças / 341 municípios) | 1 | 3% |
| Ostermayer et al. 20112 | 2001–2008 | Pai Pedro | MG | Sudeste | Inquérito | ELISA, IHA, IFA, teste rápido, Western blot | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | Média = 33 (11210 crianças / 341 municípios) | 1 | 3% |
| Ostermayer et al. 20112 | 2001–2008 | Porteirinha | MG | Sudeste | Inquérito | ELISA, IHA, IFA, teste rápido, Western blot | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | Média = 33 (11210 crianças / 341 municípios) | 1 | 3% |
| Ostermayer et al. 20112 | 2001–2008 | Carlópolis | PR | Sul | Inquérito | ELISA, IHA, IFA, teste rápido, Western blot | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | Média = 21  (3412 crianças /160 municípios) | 1 | 4,8% |
| Ostermayer et al. 20112 | 2001–2008 | Alecrim | RS | Sul | Inquérito | ELISA, IHA, IFA, teste rápido, Western blot | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | Média = 24 (4529 crianças / 188 municípios) | 1 | 4,2% |
| Ostermayer et al. 20112 | 2001–2008 | Erval Seco | RS | Sul | Inquérito | ELISA, IHA, IFA, teste rápido, Western blot | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | Média = 24 (4529 crianças / 188 municípios) | 1 | 4,2% |
| Ostermayer et al. 20112 | 2001–2008 | Girua | RS | Sul | Inquérito | ELISA, IHA, IFA, teste rápido, Western blot | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | Média = 24 (4529 crianças / 188 municípios) | 2 | 8,3% |
| Ostermayer et al. 20112 | 2001–2008 | Humaitá | RS | Sul | Inquérito | ELISA, IHA, IFA, teste rápido, Western blot | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | Média = 24 (4529 crianças / 188 municípios) | 1 | 4,2% |
| Ostermayer et al. 20112 | 2001–2008 | Inhacora | RS | Sul | Inquérito | ELISA, IHA, IFA, teste rápido, Western blot | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | Média = 24 (4529 crianças / 188 municípios) | 1 | 4,2% |

**Tabela S7.** *Continuação*

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Autores /**  **Ano de publicação** | **Período de**  **estudo** | **Local de estudo**  **(Localidade, município)** | **Estado** | **Região** | **Amostragem** | **Testes** | **Amostra** | **Tempo de seguimento** | **Tamanho da amostra** | **Casos** | **Transmissão vertical** |
| Ostermayer et al. 20112 | 2001–2008 | Santa Maria | RS | Sul | Inquérito | ELISA, IHA, IFA, teste rápido, Western blot | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | Média = 24 (4529 crianças / 188 municípios) | 1 | 4,2% |
| Ostermayer et al. 20112 | 2001–2008 | Santiago | RS | Sul | Inquérito | ELISA, IHA, IFA, teste rápido, Western blot | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | Média = 24 (4529 crianças / 188 municípios) | 1 | 4,2% |
| Ostermayer et al. 20112 | 2001–2008 | São Sepé | RS | Sul | Inquérito | ELISA, IHA, IFA, teste rápido, Western blot | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | Média = 24 (4529 crianças / 188 municípios) | 3 | 12,5% |
| Ostermayer et al. 20112 | 2001–2008 | Vale do Sol | RS | Sul | Inquérito | ELISA, IHA, IFA, teste rápido, Western blot | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | Média = 24 (4529 crianças / 188 municípios) | 1 | 4,2% |
| Belo et al. 20163 | 2007–2012 | Unidades de Atenção Primária (pré-natal), Maceió | AL | Nordeste | Populacional | Sorologia | Sangue venoso | - | 29 | 0 | 0% |
| Santos et al. 20184 | 2015–2016 | Hospital Universitário da UFS, municípios do sul de Sergipe: Arauá, Boquim, Cristinápolis, Estância, Indiaroba, Itabaianinha, Pedrinhas, Salgado, Umbaúba, Santa Luzia do Itanhy e Tomar do Geru | SE | Nordeste | Hospitalar | ELISA, IFA | Punção digital em papel de filtro, sangue venoso | Sem seguimento (estudo transversal) | 3749 | 0 | 0% |

**\***Referências não citadas no texto principal:1, Luquetti, A.O., Tavares, S.B. do N., Siriano, L. da R., Oliveira, R.A. de, Campos, D.E., Morais, C.A. de, Oliveira, E.C. de, 2015. Congenital transmission of *Trypanosoma cruzi* in central Brazil. A study of 1,211 individuals born to infected mothers. Mem. Inst. Oswaldo Cruz 110, 369–376. <https://doi.org/10.1590/0074-02760140410>; 2, Ostermayer, A.L., Passos, A.D.C., Silveira, A.C., Ferreira, A.W., Macedo, V., Prata, A.R., 2011. O inquérito nacional de soroprevalência de avaliação do controle da doença de Chagas no Brasil (2001-2008). Rev. Soc. Bras. Med. Trop. 44, 108–121. <https://doi.org/10.1590/S0037-86822011000800015>; 3, Belo, B., Prata, A., Moura, A., Nobrega, L., Amorim, M.M., Katz, L., 2016. Seroprevalence of Chagas’ Disease in Pregnancy and Congenital Transmission of *Trypanosoma cruzi* in Maceió, Brazil [28I]. Obstetrics & Gynecology 127, 80S. <https://doi.org/10.1097/01.AOG.0000483732.19468.1b>; 4, Santos, F.R. dos, Euzébio, D.M., Oliveira, G.G. de, Chagas, M.S., Ferreira, A.R., Mendonça, L.A., Correia, D., Silva, A.M. da, 2018. Systematic neonatal screening for congenital Chagas disease in Northeast Brazil: prevalence of *Trypanosoma cruzi* infection in the Southern region of Sergipe. Rev. Soc. Bras. Med. Trop. 51, 310–317. <https://doi.org/10.1590/0037-8682-0024-2018>.

**Tabela S8.** Resultados da avaliação de qualidade em 23 estudos selecionados

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Estudo\*** | **Ano** | **Título** | **JBI** |
| ID 262 | 2021 | Seroprevalence of *Trypanosoma cruzi* in pregnant women in Midwest Brazil: an evaluation of congenital transmission. | 9 |
| ID 831 | 2017 | Analysis of the seroprevalence of and factors associated with Chagas disease in an endemic area in Northeastern Brazil. | 7 |
| ID 963 | 2015 | Congenital transmission of *Trypanosoma cruzi* in central Brazil. A study of 1,211 individuals born to infected mothers. | 8 |
| ID 1213 | 2011 | The national survey of seroprevalence for evaluation of the control of Chagas disease in Brazil (2001-2008) | 8 |
| ID 2383 | 2016 | Seroprevalence of chagas' disease in pregnancy and congenital transmission of *Trypanosoma cruzi* in Maceio, Brazil | 6 |
| ID 3781 | 2012 | Investigation of Chagas disease in four periurban areas in northeastern Brazil: epidemiologic survey in man, vectors, non-human hosts and reservoirs | 8 |
| ID 3931 | 2014 | Current situation and perspectives regarding human Chagas disease in midwestern of the state of Minas Gerais, Brazil | 7 |
| ID 4081 | 2010 | Familial analysis of seropositivity to *Trypanosoma cruzi* and of clinical forms of Chagas disease | 7 |
| ID 4311 | 2012 | Seroepidemiology of *Trypanosoma cruzi* infection in the semiarid rural zone of the State of Rio Grande do Norte, Brazil | 8 |
| ID 4491 | 2014 | An entomoepidemiological investigation of Chagas disease in the state of Ceara, Northeast Region of Brazil | 8 |
| ID 4501 | 2011 | Study on Chagas disease occurrence in the municipality of Monte Negro, state of Rondonia, Brazilian Amazon | 8 |
| ID 4891 | 2012 | Eco-epidemiology of Chagas disease in northeastern Brazil: *Triatoma brasiliensis*, *T*. *pseudomaculata* and *Rhodnius* *nasutus* in the sylvatic, peridomestic and domestic environments | 7 |
| ID 5261 | 2010 | Clinic and epidemiological study on Chagas disease in the Serra Azul district of Mateus Leme, central-western region of the State of Minas Gerais, Brazil | 8 |
| ID 7763 | 2018 | Systematic neonatal screening for congenital Chagas disease in Northeast Brazil: prevalence of *Trypanosoma cruzi* infection in the Southern region of Sergipe | 9 |
| ID 8571 | 2021 | Seroprevalence and risk factors of Chagas disease in a rural population of the Quixere municipality, Ceara, Brazil | 5 |
| ID 8641 | 2015 | Prevalence of Chagas disease in a rural área in the state of Ceara, Brazil | 7 |
| ID 8711 | 2018 | Clinical and epidemiological characteristics of Chagas disease in an endemic area of Sergipe State, Brazil | 6 |
| ID 8851 | 2020 | Assessing the entomo-epidemiological situation of Chagas disease in rural communities in the state of Piaui, Brazilian semi-arid region | 8 |
| ID 8911 | 2018 | Serological and molecular inquiry of Chagas disease in an Afro-descendant settlement in Mato Grosso do Sul State, Brazil | 5 |
| ID 9191 | 2015 | Chagas disease and housing improvement in northeastern Brazil: a cross-sectional survey | 8 |
| ID 9691 | 2022 | Eco-epidemiology of vectorial *Trypanosoma cruzi* transmission in a region of northeast Brazil | 7 |
| ID12731 | 2021 | Seroprevalence of Chagas disease in rural communities at Campinas do Piaui city, Brazil | 8 |
| ID13181 | 2020 | Serological screening for Chagas disease in an endemic region of Northern Minas Gerais, Brazil: the SaMi-Trop project | 6 |

**\***Uso dos dados dos estudos individuais nas análises:1, modelagem e inferência estatística; 2, seleção *a* *posteriori* de Brasília para fazer parte dos municípios com prevalência>0 no modelo de consenso; 3, dados não utilizados no presente estudo.

**Tabela S9.** Modelos testados para estimativa de prevalência de DCC na população geral, Brasil, 2010–2022

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Modelo** | **Variável resposta** | **Variável explicativa** | **Variável de controle** | **Tipo de modelo** | **Distribuição** |
| **m1** | PrevT | Indice | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m2** | PrevT | Chagas | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m3** | PrevT | Sentinela | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m4** | PrevT | Acesso | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m5** | PrevT | SIAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m6** | PrevT | MortJ | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m7** | PrevT | MortV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m8** | PrevT | IntDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m9** | PrevT | IntIC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m10** | PrevT | MortS | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m11** | PrevT | CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m12** | PrevT | Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m13** | PrevT | ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m14** | PrevT | AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m15** | PrevT | Chagas, Sentinela | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m16** | PrevT | Chagas, Acesso | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m17** | PrevT | Sentinela, Acesso | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m18** | PrevT | SIAB, MortJ | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m19** | PrevT | SIAB, MortV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m20** | PrevT | SIAB, IntDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m21** | PrevT | SIAB, IntIC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m22** | PrevT | SIAB, MortS | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m23** | PrevT | SIAB, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m24** | PrevT | SIAB, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m25** | PrevT | SIAB, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m26** | PrevT | SIAB, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m27** | PrevT | MortJ, MortV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m28** | PrevT | MortJ, IntDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m29** | PrevT | MortJ, IntIC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m30** | PrevT | MortJ, MortS | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m31** | PrevT | MortJ, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m32** | PrevT | MortJ, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m33** | PrevT | MortJ, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m34** | PrevT | MortJ, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m35** | PrevT | MortV, IntDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m36** | PrevT | MortV, IntIC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m37** | PrevT | MortV, MortS | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m38** | PrevT | MortV, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m39** | PrevT | MortV, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m40** | PrevT | MortV, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |

**Tabela S9.** *continuação*

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Modelo** | **Variável resposta** | **Variável explicativa** | **Variável de controle** | **Tipo de modelo** | **Distribuição** |
| **m41** | PrevT | MortV, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m42** | PrevT | IntDC, IntIC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m43** | PrevT | IntDC, MortS | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m44** | PrevT | IntDC, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m45** | PrevT | IntDC, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m46** | PrevT | IntDC, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m47** | PrevT | IntDC, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m48** | PrevT | IntIC, MortS | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m49** | PrevT | IntIC, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m50** | PrevT | IntIC, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m51** | PrevT | IntIC, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m52** | PrevT | IntIC, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m53** | PrevT | MortS, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m54** | PrevT | MortS, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m55** | PrevT | MortS, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m56** | PrevT | MortS, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m57** | PrevT | CobAB, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m58** | PrevT | CobAB, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m59** | PrevT | CobAB, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m60** | PrevT | Proc, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m61** | PrevT | Proc, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m62** | PrevT | ProcV, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m63** | PrevT | Chagas, Sentinela, Acesso | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m64** | PrevT | SIAB, MortJ, MortV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m65** | PrevT | SIAB, MortJ, IntDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m66** | PrevT | SIAB, MortJ, IntIC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m67** | PrevT | SIAB, MortJ, MortS | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m68** | PrevT | SIAB, MortJ, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m69** | PrevT | SIAB, MortJ, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m70** | PrevT | SIAB, MortJ, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m71** | PrevT | SIAB, MortJ, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m72** | PrevT | SIAB, MortV, IntDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m73** | PrevT | SIAB, MortV, IntIC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m74** | PrevT | SIAB, MortV, MortS | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m75** | PrevT | SIAB, MortV, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m76** | PrevT | SIAB, MortV, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m77** | PrevT | SIAB, MortV, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m78** | PrevT | SIAB, MortV, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m79** | PrevT | SIAB, IntDC, IntIC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |

**Tabela S9.** *continuação*

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Modelo** | **Variável resposta** | **Variável explicativa** | **Variável de controle** | **Tipo de modelo** | **Distribuição** |
| **m80** | PrevT | SIAB, IntDC, MortS | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m81** | PrevT | SIAB, IntDC, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m82** | PrevT | SIAB, IntDC, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m83** | PrevT | SIAB, IntDC, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m84** | PrevT | SIAB, IntDC, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m85** | PrevT | SIAB, IntIC, MortS | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m86** | PrevT | SIAB, IntIC, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m87** | PrevT | SIAB, IntIC, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m88** | PrevT | SIAB, IntIC, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m89** | PrevT | SIAB, IntIC, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m90** | PrevT | SIAB, MortS, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m91** | PrevT | SIAB, MortS, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m92** | PrevT | SIAB, MortS, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m93** | PrevT | SIAB, MortS, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m94** | PrevT | SIAB, CobAB, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m95** | PrevT | SIAB, CobAB, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m96** | PrevT | SIAB, CobAB, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m97** | PrevT | SIAB, Proc, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m98** | PrevT | SIAB, Proc, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m99** | PrevT | SIAB, ProcV, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m100** | PrevT | MortJ, MortV, IntDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m101** | PrevT | MortJ, MortV, IntIC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m102** | PrevT | MortJ, MortV, MortS | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m103** | PrevT | MortJ, MortV, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m104** | PrevT | MortJ, MortV, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m105** | PrevT | MortJ, MortV, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m106** | PrevT | MortJ, MortV, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m107** | PrevT | MortJ, IntDC, IntIC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m108** | PrevT | MortJ, IntDC, MortS | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m109** | PrevT | MortJ, IntDC, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m110** | PrevT | MortJ, IntDC, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m111** | PrevT | MortJ, IntDC, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m112** | PrevT | MortJ, IntDC, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m113** | PrevT | MortJ, IntIC, MortS | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m114** | PrevT | MortJ, IntIC, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m115** | PrevT | MortJ, IntIC, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m116** | PrevT | MortJ, IntIC, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m117** | PrevT | MortJ, IntIC, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m118** | PrevT | MortJ, MortS, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m119** | PrevT | MortJ, MortS, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |

**Tabela S9.** *continuação*

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Modelo** | **Variável resposta** | **Variável explicativa** | **Variável de controle** | **Tipo de modelo** | **Distribuição** |
| **m120** | PrevT | MortJ, MortS, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m121** | PrevT | MortJ, MortS, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m122** | PrevT | MortJ, CobAB, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m123** | PrevT | MortJ, CobAB, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m124** | PrevT | MortJ, CobAB, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m125** | PrevT | MortJ, Proc, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m126** | PrevT | MortJ, Proc, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m127** | PrevT | MortJ, ProcV, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m128** | PrevT | MortV, IntDC, IntIC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m129** | PrevT | MortV, IntDC, MortS | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m130** | PrevT | MortV, IntDC, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m131** | PrevT | MortV, IntDC, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m132** | PrevT | MortV, IntDC, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m133** | PrevT | MortV, IntDC, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m134** | PrevT | MortV, IntIC, MortS | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m135** | PrevT | MortV, IntIC, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m136** | PrevT | MortV, IntIC, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m137** | PrevT | MortV, IntIC, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m138** | PrevT | MortV, IntIC, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m139** | PrevT | MortV, MortS, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m140** | PrevT | MortV, MortS, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m141** | PrevT | MortV, MortS, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m142** | PrevT | MortV, MortS, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m143** | PrevT | MortV, CobAB, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m144** | PrevT | MortV, CobAB, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m145** | PrevT | MortV, CobAB, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m146** | PrevT | MortV, Proc, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m147** | PrevT | MortV, Proc, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m148** | PrevT | MortV, ProcV, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m149** | PrevT | IntDC, IntIC, MortS | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m150** | PrevT | IntDC, IntIC, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m151** | PrevT | IntDC, IntIC, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m152** | PrevT | IntDC, IntIC, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m153** | PrevT | IntDC, IntIC, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m154** | PrevT | IntDC, MortS, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m155** | PrevT | IntDC, MortS, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m156** | PrevT | IntDC, MortS, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m157** | PrevT | IntDC, MortS, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m158** | PrevT | IntDC, CobAB, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m159** | PrevT | IntDC, CobAB, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |

**Tabela S9.** *continuação*

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Modelo** | **Variável resposta** | **Variável explicativa** | **Variável de controle** | **Tipo de modelo** | **Distribuição** |
| **m160** | PrevT | IntDC, CobAB, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m161** | PrevT | IntDC, Proc, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m162** | PrevT | IntDC, Proc, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m163** | PrevT | IntDC, ProcV, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m164** | PrevT | IntIC, MortS, CobAB | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m165** | PrevT | IntIC, MortS, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m166** | PrevT | IntIC, MortS, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m167** | PrevT | IntIC, MortS, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m168** | PrevT | IntIC, CobAB, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m169** | PrevT | IntIC, CobAB, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m170** | PrevT | IntIC, CobAB, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m171** | PrevT | IntIC, Proc, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m172** | PrevT | IntIC, Proc, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m173** | PrevT | IntIC, ProcV, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m174** | PrevT | MortS, CobAB, Proc | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m175** | PrevT | MortS, CobAB, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m176** | PrevT | MortS, CobAB, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m177** | PrevT | MortS, Proc, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m178** | PrevT | MortS, Proc, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m179** | PrevT | MortS, ProcV, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m180** | PrevT | CobAB, Proc, ProcV | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m181** | PrevT | CobAB, Proc, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m182** | PrevT | CobAB, ProcV, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |
| **m183** | PrevT | Proc, ProcV, AIHICDC | X, Y, Area, Pop | LM, GLM, GAM | Normal, Gama |